

Supplementary Table 2. Summary of RT-PCR Primer

Gene	RefSeq	F-primer	F-sequence 5'- 3'	R-primer	R-sequence 5'- 3'
<i>ANAPC1</i>	NM_022662	F1	CTTCTAGTGCCTGTGGATGTGG	R1	TCCCAGTATCTTGGGCCTTTTA
<i>ANAPC10</i>	NM_014885	F1	AGATGGTCCCAGCCTCATTTA	R1	ACCAACTCAAGTTGCCGAATTT
<i>ANAPC2</i>	NM_013366	F1	GGACAGGAGTTGTTAGTGGCCT	R1	ACTCCTCCAGGACCGAGTGTAG
<i>ANAPC5</i>	NM_016237	F1	TCTGTCCCAAAAACAAGCAGAA	R1	ATCTTGGACACGGAGGTTGTTT
<i>AURKB</i>	NM_004217	F1	CTCCCTGAGGAGGAAGACAATG	R1	AGGTCTCGTTGTGTGATGCACT
<i>CAPG</i>	NM_022346	F1	GATGATGAATGCCAGTGGTTA	R1	CCAGCTTTCTGACAGCCTCTTT
<i>CBX1</i>	NM_006807	F1	AGCCAGAAGAGAACCTGGATTG	R1	CCTCGTGGCTTTTCTGACTCTT
<i>CBX3</i>	NM_007276	F2	AAGCTGGCAAAGAAAAGATGG	R2	AGACCTCTGGCAAATCCTCTTG
<i>CBX5</i>	NM_012117	F1	AAGATCATTGGGGCAACAGATT	R1	GCATGCCATGTCAGTCTCTCTT
<i>CCNB2</i>	NM_004701	F1	CTCTGCAAATCGAGGACATTG	R1	TGTACCAGCCAATCCACTAGGA
<i>CDC16</i>	NM_003903	F1	AAAGCAATTGGGAACGAGGTAA	R1	TCAAAGTTGCCCATCAGACTGT
<i>CDC25C</i>	NM_002376	F1	GAAGTGGATGTGTGGAGTCTGG	R1	TAGCACCAGGAAACGTTTGAGA
<i>CDC27</i>	NM_001256	F1	TTCCCAAAGAATCCCTCGTTTA	R1	CTTGGGTTATTGGCTCCTCATC
<i>CDH1</i>	NM_016263	F1	TCCTTGTCTGGAAGTACCCCTC	R1	ACGGGTTTTGCTAAAGACGTTT
<i>CDK7</i>	NM_001799	F1	GCCAGGAGATTGAGACCTTGAT	R1	CTGCTGCACTGAAGATGTGATG
<i>CENPA</i>	NM_001809	F1	GCCGAGTTACTCTTCCCAA	R1	TGGATCTAGTCATGGCTCTGGA
<i>COPB</i>	NM_016451	F1	TCTCAGTGACAACAACGAAGCA	R1	TGCTCCTCGGTAAATCTTGACA
<i>EGFR</i>	NM_005228	F1	AGGTGGCTGGTTATGTCCTCAT	R1	CCTTCAGTCCGGTTTTATTTGC
<i>H2AFY</i>	NM_004893	F1	CTTTGAGGTGGAGGCCATAATC	R1	GGACAGCTTCCACAACTCCTT
<i>H3F3A</i>	NM_002107	F1	CCTCTACTGGAGGGGTGAAGAA	R1	AGGGAAGTTTGCGAATCAGAAG
<i>HIST1H1E</i>	NM_005321	F1	TCATTACTAAAGCTGTTGCCGC	R1	GTTGAGTTTGAAGGAACCCGAC
<i>INCENP</i>	NM_020238	F1	CACAACACTACGGGATGGATCTGA	R1	GATATCCTCCAAGTCCAGTGGG
<i>KIF11</i>	NM_004523	F1	CCAGCAAGCTGCTTAACACAGT	R1	CTTCTAGCATGGCCTTTTGCTT
<i>KIF23</i>	NM_004856	F1	CCAGAGCAGAAGGGAACAGATT	R1	CACTTTTCTTCCCATCAAAG
<i>LBR</i>	NM_002296	F1	TGGCTTGGGAAAAGTACTGTCA	R1	AGACCCTGTCAGTGCAACAAAA
<i>LMNA</i>	NM_005572	F1	TTCCTCTCACTCATCCAGACA	R1	ATGGACTGGTCTCATTGGACT
<i>MAD2L1</i>	NM_002358	F1	GCGTGGCATATATCCATCTGAA	R1	CTTCCAGGACCTCACCCTTT
<i>MAP2K4</i>	NM_003010	F1	CAAGACAAGAGATGCTGGCTGT	R1	CACTTTGGATAAGGAAATCGGC
<i>NUMA1</i>	NM_006185	F1	CAAGAGGGAGATTGCTTCCCTA	R1	GTTCTCAGCTAGCTCCAGCTCC
<i>NUP107</i>	NM_020401	F1	GACAGCCTTTTACCCCAACAAG	R1	CTGCCAGTACTGTCATCCAG
<i>Nup153</i>	NM_005124	F1	GAAGCTGGGACTGTGAATTGTG	R1	CCAAATTTGAAGGATGAGGAGG
<i>NUP37</i>	NM_024057	F1	AGCTTGGAGCCCAGAGACTAGA	R1	CTTGCAATTTCTTGGCCTTCTT
<i>NUP62</i>	NM_012346	F1	AATGGAGAAAAGATCACCAGCC	R1	CTCTGCTCCTTGACCAACTCCT
<i>PILK1</i>	NM_005030	F1	GACAAGTACGGCCTTGGGTATC	R1	CACGGTGAGGTAGGACTCAGTG
<i>POM121</i>	NM_172020	F1	GTGTAGCCCAGTACTGTGAGG	R1	TTCTCCTTCTTTTGGAGGCAC
<i>RANBP2</i>	NM_006267	F1	ACACACAACACAGCCAACCTCCT	R1	AGGAATTGGTTTGGCTCCACTA
<i>SEC13L1</i>	NM_030673	F1	ACAACCTCATCAAGCTGTGGAA	R1	GTCCAAATGAACACACGACCAT
<i>SEH1L</i>	NM_031216	F1	ACTGATGTGAAGTTTGTCTCCA	R1	GAAGGGTTCCAAGAAATGCAAC
<i>SMC4L1</i>	NM_005496	F1	TGACAGAAACCTTCAAAGGCA	R1	CAGATTGCGATGTTCTTTCTGG
<i>SRAD21</i>	NM_006265	F1	GGTTCCTAGAGAGGACCAGCAA	R1	ATCACAGGCTCTGGGTCAATTT
<i>SUV39H2</i>	NM_024670	F1	TGCTGAAGCTGGAGTTCTTTTG	R1	TTCGAAAGATGCAAAGCGAATA
<i>TOP2A</i>	NM_001067	F1	ACGCTTATCCTGACTGAGGGAG	R1	TCAGCATTTTCCATGATCTGCT
<i>TPX2</i>	NM_012112	F1	AACTTGCTCTGGCTGGAATAGG	R1	CTTAGTCACTCGGGCAGGAGAT